

# LA IA EN LOS NOBEL

El Nobel en Química 2024 ha recaído en Baker, Hassabis y Jumper, por descifrar la estructura de las proteínas. Descubre siete conceptos clave sumergidos en la sopa de letras en posición, horizontal, vertical o inclinada.

u	r	a	n	e	m	x	y	b	z	w	c	v	k	l	c	s
s	o	f	t	w	a	r	e	j	q	d	k	a	c	e	y	g
r	l	a	n	o	i	s	n	e	m	i	d	i	r	t	w	p
f	h	p	r	o	f	u	n	d	a	s	k	o	r	x	v	o
q	s	y	s	a	r	u	t	c	u	r	t	s	e	c	v	f
l	j	g	z	p	r	o	t	e	i	n	a	s	i	s	d	a
s	e	c	u	e	n	c	i	a	s	g	m	o	q	h	a	c

1 RoseTTAFold, es uno que ha revolucionado la biología estructural, ya que es capaz de predecir con alta precisión la estructura tridimensional de proteínas a partir de su secuencia de aminoácidos.

2 RoseTTAFold tiene la capacidad única de diseñar nuevas proteínas desde aquí.

3 RoseTTAFold destaca por su enfoque modular y su capacidad para manejar interacciones de éstas y complejos más grandes.

4 La distinción a Demis Hassabis y John Michael Jumper premia el empleo de la IA en el aprendizaje profundo para la predicción de esta estructura de las proteínas.

5 AlphaFold utiliza grandes cantidades de datos de éstas y estructuras de proteínas conocidas para "aprender" cómo se pliegan las proteínas.

6 AlphaFold está basado en redes neuronales de este tipo.

7 Con AlphaFold, ahora es posible predecir éstas para prácticamente cualquier proteína de manera rápida y precisa